

## Correlação entre características fenotípicas de raízes em clones de batata-doce

Luan del Rey S de Melo<sup>1\*</sup>; André Dutra Silva Júnior<sup>1</sup>; Jéssica L Gomes<sup>1</sup>; Breno Botiko<sup>1</sup>; Mariane G Copati<sup>1</sup>; Carlos N Gomes<sup>1</sup>

<sup>1</sup>Universidade Federal de Viçosa – Departamento da Agronomia, CEP: 36570-900, Viçosa - MG, Brasil; luan.melo@ufv.br; andre.junior@ufv.br; jessica.lino@ufv.br; breno.botiko@ufv.br; mariane.goncalves@ufv.br; carlos.nick@ufv.br

\* Apresentador do trabalho no 57º CBO

### RESUMO

A batata-doce é uma hortaliça com grande importância nutricional e econômica, sendo utilizada para alimentação humana e animal. Entretanto, o melhoramento genético ainda é embrionário. No melhoramento genético, é fundamental identificar a correlação entre caracteres de interesse para estabelecer uma associação linear entre elas, o que facilita o aprimoramento de características com baixa herdabilidade. O objetivo deste trabalho foi determinar as correlações fenotípicas entre atributos quantitativos e qualitativos em clones de batata-doce. Os clones foram testados em condições de campo em delineamento de blocos aumentados, com testemunhas intercaladas, sendo: ‘Brazlândia Branca’ com polpa creme-clara, ‘BRS Amélia’ com polpa alaranjada e ‘BRS Cotinga’ com polpa roxa. Os caracteres avaliados foram o número total de raízes (NTR), número de raízes comerciais (NRC), produção de raízes totais (PRT), produção de raízes comerciais (PRC), porcentagem de raízes comerciais (%RC) e resistência a praga de solo (RP). Os dados passaram por análise de correlação de Pearson em todos os atributos, com exceção de RP, que não apresentou significância no teste F. As interpretações das correlações foram categorizadas em diferentes níveis: muito fraca (0,00 a 0,19), fraca (0,20 a 0,39), moderada (0,40 a 0,69), forte (0,70 a 0,89) e muito forte (0,90 a 1,0). Foram identificadas correlações positivas e moderadas entre NTRxPRT (0,40\*\*), NTRxNRC (0,49\*\*), NRCxRC (0,66\*\*), NRCxPRT (0,44\*\*), PRTxPRC (0,58\*\*) e PRCxRC (0,67\*\*), destacando-se uma correlação significativamente forte entre NRC e PRC, registrando um valor de 0,85. Os resultados indicaram que a alta produção total de raízes está atrelada a produção de raízes comerciais.

**PALAVRAS-CHAVE:** *Ipomoea batatas* L, melhoramento genético, associação entre caracteres.

### AGRADECIMENTOS

Os autores agradecem o apoio financeiro das agências FAPEMIG, CNPq e CAPES, ao suporte da UFV e aos funcionários da Unidade de Ensino, Pesquisa e Extensão (UEPE “Horta Velha”) pelas contribuições prestadas nas atividades do campo.