



# DIVERSIDADE GENÉTICA EM GERMOPLASMA DE MORINGA

EVANDRO N MUNIZ<sup>1\*</sup>; TÁSSIA FERNANDA S N SOARES<sup>2</sup>; ITAMARA B GOIS<sup>2</sup>;  
ANA S LEDO<sup>1</sup>; ANA VERUSKA C SILVA<sup>1</sup>

<sup>1</sup> EMBRAPA TABULEIROS COSTEIROS – ARACAJU - SE,  
<sup>2</sup> UNIVERSIDADE FEDERAL DE SERGIPE -UFS - CAMPUS SÃO CRISTOVÃO

## INTRODUÇÃO

A moringa é uma árvore originária da Índia, amplamente distribuída e mundialmente conhecida pelas suas múltiplas aplicações.

Em 2009, a Embrapa Tabuleiros Costeiros iniciou suas pesquisas sobre conservação dos recursos genéticos da espécie e implantou um Banco Ativo de Germoplasma (BAG).

Atualmente é composto por 30 acessos (local de coleta, na ocasião da coleta eram 25), representados por 177 genótipos (indivíduos), provenientes da Universidade da Flórida, EUA, e de diferentes estados do Brasil.



O presente trabalho foi desenvolvido com o objetivo de avaliar a diversidade genética existente nesse germoplasma.

## METODOLOGIA

O BAG está localizado no Campo Experimental ‘Jorge do Prado Sobral’, no município de Nossa Senhora das Dores, Sergipe.



**Tabela 1.** Origem, codificação e número de genótipos do BAG Moringa da Embrapa Tabuleiros Costeiros. Nossa Senhora das Dores, Sergipe, Brasil.

Provenance	Accession	Number of genotypes
Florida, United States	M1	8
	M2	8
	M3	8
	M4	8
	M5	8
	M6	10
	M7	8
	M8	5
	M9	7
	M10	9
	M11	6
	M12	7
	M13	4
	M14	7
	M15	5
	M16	9
	M17	9
	M18	2
Fortaleza, Ceará, Brazil	M19	2
Mossoró, Rio Grande do Norte, Brazil	M20	3
Petrolina, Pernambuco, Brazil	M21	7
Aracaju, Sergipe, Brazil	M22	7
Frei Paulo, Sergipe, Brazil	M23	10
Itabaiana, Sergipe, Brazil	M24	10
Queimadas, Paraíba, Brazil	M25	10
Total		177

**Tabela 2.** Sequência, temperature de anelamento e conteúdo de guanina-citosina (%GC) dos primers SSR utilizados para estudo de diversidade genética do BAG Moringa da Embrapa Tabuleiros Costeiros.

Primer	Sequence	AT °C	%GC
UBC 807	5' AGA GAG AGA GAG AGA GT 3'	47.0	47.1
UBC 809	5' AGA GAG AGA GAG AGA GG 3'	57.2	52.9
UBC 813	5' CTC TCT CTC TCT CTC TT 3'	44.6	47.1
UBC 811	5' GAG AGA GAG AGA GAG AC 3'	46.8	52.9
UBC 816	5' CAC ACA CAC ACA CAC AT 3'	54.8	47.1
UBC 818	5' CAC ACA CAC ACA CAC AG 3'	57.2	52.9
UBC 823	5' TCT CTC TCT CTC TCT CC 3'	57.2	52.9
UBC 825	5' ACA CAC ACA CAC ACA CT 3'	54.8	47.1
UBC 826	5' ACA CAC ACA CAC ACA CC 3'	57.2	52.9
UBC 827	5' ACA CAC ACA CAC ACA CG 3'	57.2	52.9
UBC 845	5' CTC TCT CTC TCT CTC TG 3'	58.8	52.9
UBC 848	5' CAC ACA CAC ACA CAC AG 3'	58.8	50.0
UBC 855	5' ACA CAC ACA CAC ACA CT 3'	53.1	47.1
UBC 856	5' ACA CAC ACA CAC ACA CA 3'	56.5	47.1
UBC 860	5' TGT GTG TGT GTG TGT GA 3'	46.9	47.1
UBC 864	5' ATG ATG ATG ATG ATG ATG 3'	50.8	33.3
ISSR 1	CAC ACA CAC ACA GG	52.6	57.1
ISSR 2	CTC TCT CTC TCT CTC TAC	57.6	50
ISSR 4	CAC ACA CAC ACA AC	49.7	50
ISSR 6	CAC ACA CAC ACA AG	49.7	50

## RESULTADOS

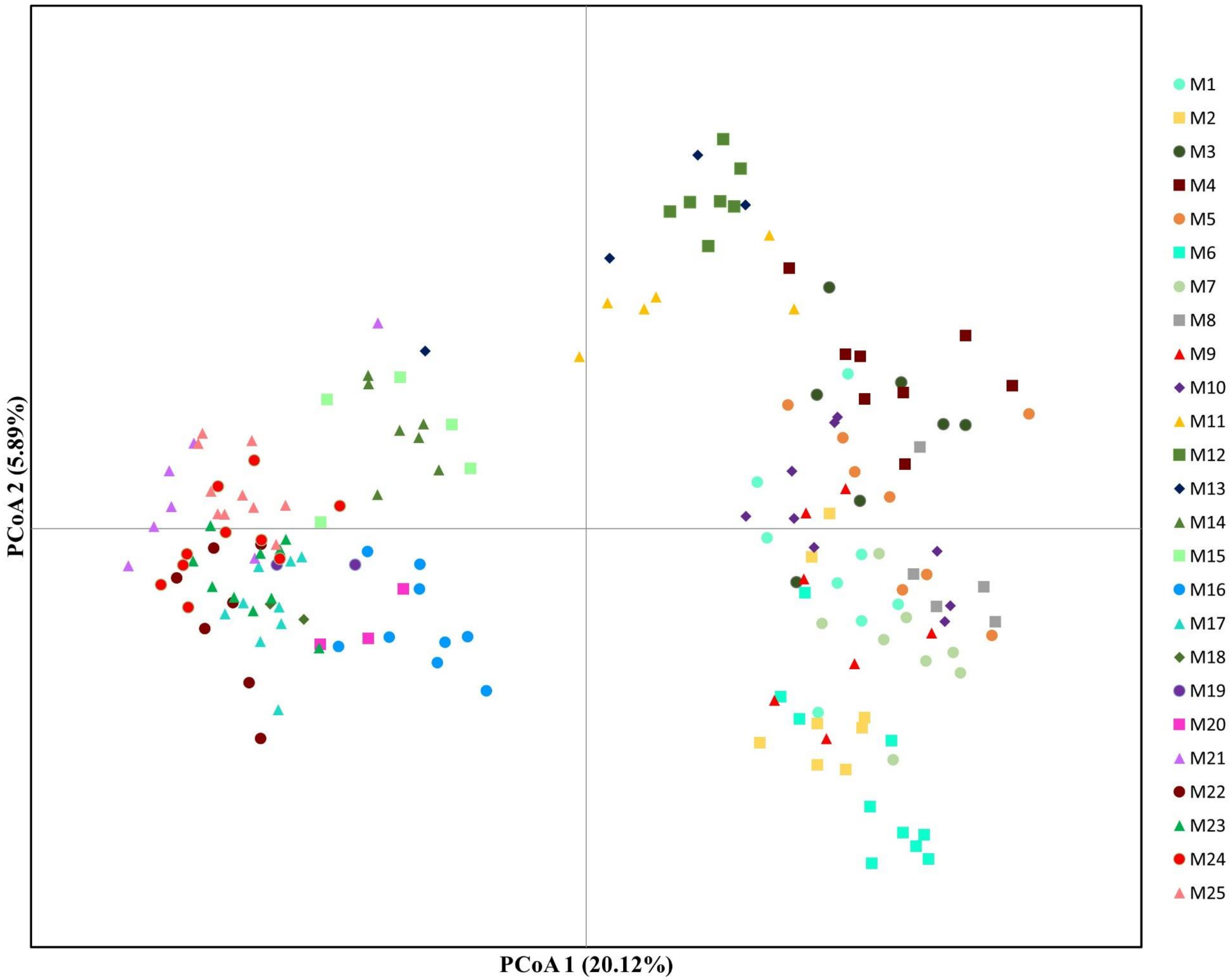


Figura 1. Análise de coordenadas principais (PCoA) referente de 25 acessos do Banco Ativo de Germoplasma de Moringa da Embrapa Tabuleiros Costeiros, representados por 177 genótipos.

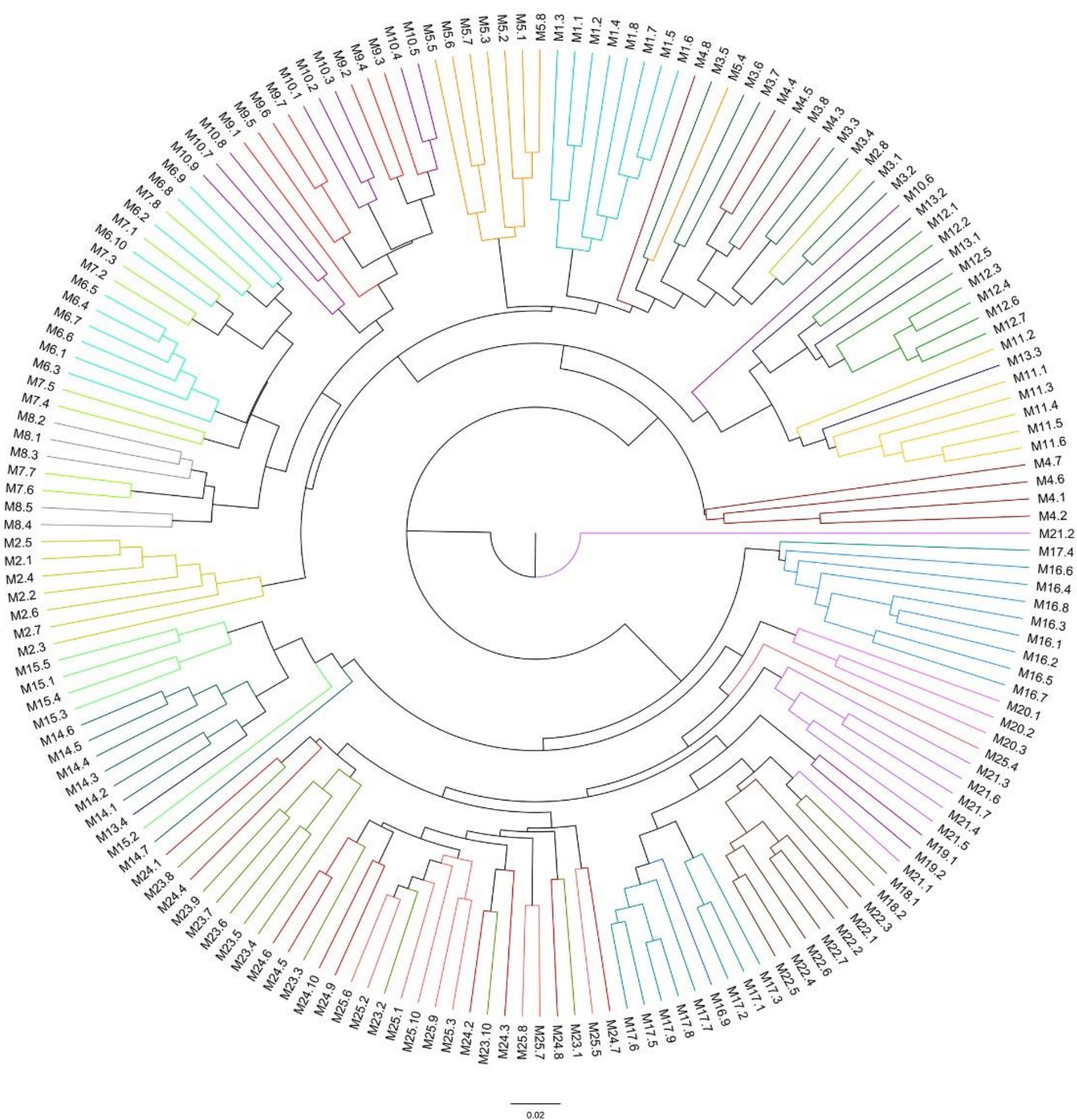


Figura 2. Matriz utilizando o coeficiente de Rogers dos 25 acessos representados por 177 genótipos provenientes do Banco Genético de Moringa da Embrapa Tabuleiros Costeiros. Diferentes cores representam diferentes acessos.

## CONCLUSÕES

Os resultados sugerem baixa diversidade genética entre os acessos, e que a introdução de novos acessos é essencial para aumentar a variabilidade genética, garantindo sua conservação e estratégias para o melhoramento.

## AGRADECIMENTOS

CNPq Processo 313273/2021-9  
Embrapa Tabuleiros Costeiros

